

Appendix L. Maximum Likelihood fits of 24 different nucleotide substitution models of wild and domestic goats

Model	BIC	lnL	Invariant	Gamma	R	Freq A	Freq T	Freq C	Freq G
<b>T92+G+I</b>	<b>11881.7</b>	<b>-4105.9</b>	<b>0.3216</b>	<b>0.4677</b>	<b>17.3680</b>	<b>0.3052</b>	<b>0.3052</b>	<b>0.1948</b>	<b>0.1948</b>
T92+G	11883.1	-4112.1	n/a	0.2554	17.2726	0.3052	0.3052	0.1948	0.1948
K2+G	11888.1	-4120.2	n/a	0.2514	16.8493	0.2500	0.2500	0.2500	0.2500
K2+G+I	11888.2	-4114.7	0.2652	0.3851	16.8062	0.2500	0.2500	0.2500	0.2500
HKY+G	11893.5	-4106.2	n/a	0.2511	17.7668	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
HKY+G+I	11894.8	-4101.3	0.3020	0.4375	17.6934	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
TN93+G	11904.3	-4106.1	n/a	0.2508	17.7859	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
TN93+G+I	11905.1	-4101.0	0.3116	0.4448	17.6760	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
GTR+G	11939.2	-4106.9	n/a	0.2528	15.0149	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
GTR+G+I	11939.4	-4101.5	0.3041	0.4439	15.0424	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
T92+I	12172.6	-4256.9	0.5391	n/a	14.6159	0.3052	0.3052	0.1948	0.1948
HKY+I	12197.1	-4258.1	0.5374	n/a	14.6133	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
K2+I	12200.9	-4276.6	0.5409	n/a	14.2893	0.2500	0.2500	0.2500	0.2500
TN93+I	12208.2	-4258.1	0.5374	n/a	14.6144	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
GTR+I	12238.8	-4256.7	0.5372	n/a	14.6067	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
T92	12883.3	-4617.8	n/a	n/a	13.3592	0.3052	0.3052	0.1948	0.1948
K2	12889.7	-4626.5	n/a	n/a	13.3156	0.2500	0.2500	0.2500	0.2500
HKY	12938.9	-4634.5	n/a	n/a	13.3727	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
GTR	12944.1	-4614.9	n/a	n/a	13.3617	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
TN93	12949.9	-4634.5	n/a	n/a	13.3717	0.3193	0.2910	0.2319	0.1578
JC+G	13128.1	-4745.7	n/a	0.2852	0.5000	0.2500	0.2500	0.2500	0.2500
JC+G+I	13129.4	-4740.8	0.2812	0.4648	0.5000	0.2500	0.2500	0.2500	0.2500
JC+I	13401.3	-4882.3	0.5400	n/a	0.5000	0.2500	0.2500	0.2500	0.2500
JC	14066.5	-5220.5	n/a	n/a	0.5000	0.2500	0.2500	0.2500	0.2500