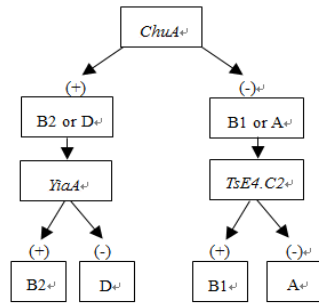


1  
2  
3  
4  
5  
6  
7  
8  
9  
10  
11  
12  
13  
14  
15  
16  
17



Appendix A Dichotomous decision tree to determine the phylogenetic group of an *E. coli* strain

Appendix B List of primers used in this study.

Target gene	Primer	Sequence 5'-3'	Product size (bp)
Phylogeny			
<i>chuA</i>	<i>chuA.F</i>	GACGAACCAACGGTCAGGAT	279
	<i>chuA.R</i>	TGCCCCAGTACCAAAGACA	
<i>yjaA</i>	<i>yjaA.F</i>	TGAAGTGTCTCAGGAGACGCTG	211
	<i>yjaA.R</i>	ATGGAGAATGCGTTCCTCAAC	
<i>TspE4.C2</i>	<i>TspE4.C2.F</i>	GAGTAATGTCCGGGCATTCA	152
	<i>TspE4.C2.R</i>	CGCGCCAACAAAGTATTACG	
Virulence factor			
<i>eaeA</i>	<i>eaeA.F</i>	GACCCGGCACAAGCATAAGC	384
	<i>eaeA.R</i>	CCACCTGCAGCAACAAGAGG	
<i>crl</i>	<i>crl.F</i>	TTTCGATTGTCTGGCTGTATG	250
	<i>crl.R</i>	CTTCAGATTCAGCGTCGTC	
<i>aggR</i>	<i>aggR.F</i>	ACGCAGAGTTGCTGATAAAG	400
	<i>aggR.R</i>	AATACAGAATCGTCAGCATCAGC	
<i>stx-1</i>	<i>stx-1.F</i>	TTGCTCTGCAATAGGTA	555
	<i>stx-1.R</i>	TTCCCCAGTCAATGTAAGAT	
<i>stx-2</i>	<i>stx-2.F</i>	GTGCTGTACTGGGTTTTTCTTC	118
	<i>stx-2.R</i>	AGGGGTCGATATCTCTGTCC	
<i>fimH</i>	<i>fimH.F</i>	CTGGTCATTCGCCTGTAAAACCGCCA	846
	<i>fimH.R</i>	GTCACGCCAATAATCGATTGCACATCCCT	
<i>hlyA</i>	<i>hlyA.F</i>	TGCAGCCTCCAGTGCATCCCTC	355
	<i>hlyA.R</i>	CTTACCACTCTGACTGCGATCAGC	
<i>hlyE</i>	<i>hlyE.F</i>	GAAACCGCAGATGGAGCATT	553
	<i>hlyE.R</i>	CGCCCGCAGCAATAGAATAG	

---

<i>astA</i>	<i>astA.F</i>	TGCCATCAACACAGTATATCCG	102
	<i>astA.R</i>	ACGGCTTTGTAGTCCTTCCAT	
<i>ibeA</i>	<i>ibeA.F</i>	AGGCAGGTGTGCGCCGCGTAC	170
	<i>ibeA.R</i>	TGGTGCTCCGGCAAACCATGC	
<i>iucD</i>	<i>iucD.F</i>	ACAAAAAGTTCTATCGCTTCC	239-259
	<i>iucD.R</i>	CCTGATCCAGATGATGCTC	
<i>kpsMII</i>	<i>kpsMII.F</i>	GCGCATTTGCTGATACTGTTG	272
	<i>kpsMII.R</i>	CATCCAGACGATAAGCATGAGCA	
<i>papC</i>	<i>papC.F</i>	GTGGCAGTATGAGTAATGACCGTTA	200
	<i>papC.R</i>	ATATCCTTTCTGCAGGGATGCAATA	
<i>cnfI</i>	<i>cnfI.F</i>	AAGATGGAGTTTCTATGCAGGAG	498
	<i>cnfI.R</i>	CATTCAGAGTCCTGCCCTCATTATT	
<i>sfaS</i>	<i>sfaS.F</i>	GTGGATACGACGATTACTGTG	240
	<i>sfaS.R</i>	CCGCCAGCATTCCCTGTATTTC	
<i>malX</i>	<i>malX.F</i>	GGACATCCTGTTACAGCGCGCA	922
	<i>malX.R</i>	TCGCCACCAATCACAGCCGAAC	
<i>Flic</i>	<i>Flic.F</i>	CAAGTCATTAATAC(A/C)AACAGCC	900-2600
	<i>Flic.R</i>	GACAT(A/G)TT(A/G)GA(G/A/C)ACTTC(G/C)GT	
<i>OmpA</i>	<i>OmpA.F</i>	AGCTATCGCGATTGCAGTG	919
	<i>OmpA.R</i>	GGTGTTGCCAGTAACCGG	
<i>OmpC</i>	<i>OmpC.F</i>	GCAGGCCCTTTGTTTCGATA	1236
	<i>OmpC.R</i>	GCCGACTGATTAATGAGGGTTA	
<i>OmpF</i>	<i>OmpF.F</i>	GAACTGGTAAACGATACCCACAG	1071
	<i>OmpF.R</i>	ATTCTGGCAGTGATCGTCCCT	

---

18

19

20