> GhMADS17
MGRGRVELKRIENKINRQVTFAKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIIFSNRGK
LYEFCSSSSMLKTLDRYQKCSYGAVEVSKPAKELESSYREYLKLKARYEELQR
TQRNLLGEDLGPLNSKELEQLEHQLESSLKHVRSTKTQYMLDQLTELQNKEQ
MLMETNRALSIKLEEISARNQFRVSWEGGEQSVAFTNQQAQSMGLFQPLECN
PTLQIGYCNPVASDQMAATTHAQQVNGFIPGWML
> GhMADS62
MGRGRVELKRIENKINRQVTFAKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIIFSNRGK
LYEFCSSSGMLKTLDRYQKCSYGAVEVSKPAKELESSYREYLKLKARYEELQR
TQRNFLGEDLGPLNSKELEQLEHQLESSLKHVRSTKTQYMLDQLSELQNKER
MLMETNRALSIKLEEVSARNQFRVSWEGGEQGVAFTNQQAQSMGLFQPLEC
NPTLQIGYCNPVASDQMAATTHAQQVNGFIPGWML
> GhMADS1
MGRGRVELKRIENKINRQVTFAKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIIFSNRGK
LYEFCSSSSMIKTLERYQKCNYGAPEPNVSSREAALELSSRQEYLKLKARYDA
LQRSQRNLLGEDLGPLSSKELESLEKQLDSSLKLIRSTRTQYMLDQLNDLQRK
EHLLNEANKTLKQRLVEGYQVNSLQLNPNATEDVGYGRQQVHHQPHGDAFF
HPLDCEPTLQIGYQHDPMSVVTAGPS
> GhMADS16
MGRGRVELKRIENKINRQVTFAKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIIFSNRGK
LYEFCSSSSMMKTLERYQKCSHGAPETNVSTREALELSSQQEYLKLKARYEAL
QRSQRNLLGEDLGPLSSKELESLERQLDSSLKLIRSTRTQYMLDQLTDLQRKE
HLLNEANKNLKQRLMEGYQVHSLQLNPNADDVGYGRQPTHQPQGDVFFHP
LDCEPTLQIGYQPDTISAVTGCPSVNNYMTGWLP
> GhMADS48
MGRGRVELKRIENKINRQVTFAKRRNGLLKKAYELSVLCDAEAALIVFSNRG
KLYEFCSSPSMTKTLEKYQKCSYSTLDNSSSISETQNSYQEYLKLKARVEVLQ
TSQRNLLGEDLGPLDSKELDQLEHQLEASLKQIRSTKVQAMLDQLNDLHNRE
KLLTDANKSLRRKLEELSTQVPQGPAWDNIGGPCIPPYNHLTEAQSEAFFHPLG
ANCSSQIGYSNDVVSDEMNAAVHSQNVNGYFPGWML
> GhMADS11
MGRGKVELKRIENKINRQVTFAKRRNGLLKKAYELSILCDAEVALIIFSNRGKL
YEFSSSNSIADILERYNRCTYGALEPGQTEIETQRNYQEYLKLKAKVEVLQHS
QRHFLGEDLGDLGSEELEQLERQLDFSLKKIRSLKMEHMVEQLSKLERKEEM
LLETNRNLRRKLDENASTLRSTWETGEQSVPCNLQRPPFFEPLQCTTSMQISY
NVPADLTHENIATTTSAPSGFIPDWML
> GhMADS49
MGRGKVELKRIENKINRQVTFAKRRNGLLKKAYELSILCDAEVALIIFSNRGKL
YEFSSSNSIADTLERYNRCTYGALEPGQTEIETQRNYQDYLKLKAKVEVLQHS
QRHFRGEELGDLGSKELEQLEHQLDFSLKKIRSLKMEHMVEQLSKLERKEEM
LLETNRNLRRKLDENASTLRSTWETGEQSVPCNLQRPPFFEPLQCTTSMQISY
NVPADLTHENIATTTSAPGGFIPDWML
>GhMADS20
MGRGKVELKRIENKINRQVTFAKRRNGLLKKAYELSILCDAEVALIIFSNRGKL

YEFSSSNSIADTLERYNRCTYGALEPGQTEIETQRNYQDYLKLKAKVEVLQHS
QRHFLGEELGDLGSKELEQLEHQLDFSLKKIRSLKMEHMVEQLSELQTKEEV
LLETNRNLRMEVGWKWSITEIIMGNGGAKHSIQPSTPPPQSEGFFEPFHCNNS
MQIGYNPISVTVYYNATASALAPSGFIPGWML
> GhMADS45
MGRGRVELKRIANKINRQVTFSKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIIFSNRGK
LYEFGSSGMTKTLERYQQCCFTPQPQHNIPEHETQSWYQEIIKLKAKYEALER
TQRHLLGDDLGPLNLKELQNLEKQLEGTLVLARQRKTQIMMEQMEDLRKKE
RQLGELNKQLKIKLDGEGQNLKTSQGLWSCCTTAENSHIPLHPSHPNPMECD
HEPVLQIGYHHHYVEAEGSSVPRSMAGETNFIHGWVI
> GhMADS47
MGRGRVELKRTANKINRQVTFSKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIIFSNRGK
LYEFGSSGYIYSMTKTLERYQQCCFTPQPQHNIPEHETQSWYQEIIKLKAKYEA
LERTQRHLLGDDLGPLNLKELQNLEKQLEGTLVLARQRKTQIMMEQMEDLR
KKERQLGELNKQLKIKLDGEGQNLKTSQGLWSCCTTAENSHIPLHPSHPNPME
CDHEPVLQIGYHHHYVEAEGSSVPRSMAGETNFIHGWVI
> GhMADS46
MGRGRVELKRIENKINRQVTFSKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIIFSSRGKL
YEFSSSGMTKTLERYQRCCFIPHDNTHERETQSWYQEVIKLNAKYEALQRTQ
RHLLGEDLGPLNMKELHNLEKQLEGALARARQRKTQIMMEQMDDLRKKER
QLGDLNKQLIIKLEAEGQNLETIQGLWGCCGAAATENFPLHLSQTQPMECDLQ
PVLQIGYHHYVEAEGSSAPKDMAGETNFIHGWVI
> GhMADS13
MGRGRVELKRIENKINRQVAFSKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIIFSSRGKL
YEFGSSGMSKTLERYQRCCFTPQDNSLERETQNWYQEVTKLKAKYEALQRT
QRYLLGEDLGPLNVKELQNLEKQLEGALALARQRKTQIMIEQMEDLRKKERE
LGDLNKQLKIKLEAEGQNLKTIQGLWSSGAAAETSNFPLHPSHPHPMDCDHE
PVLQIGYHHFVQAEGSSVPKSMAGETNFIHGWVI
> GhMADS61
MGRGRVQLRRIENNISRQVTFSKRRSGLLKKANEISVLCDADVALIVFSNKGK
LFEFSSDPSMERILERYERQIYAPTGSESQANWSLESSKLMSTIEVLQRNLRNF
RGEELEPLSSRDLQLLEQQIGNSLKRIRTRKNKLMNESISVLQKREKTLQDQN
NMLAKKQTPTEHAQHEVQQKLVQNSPPSTSIQPPTPPPAATRFPCLTIGGSYEA
MKGTNKEAELNLNLVPNQ
>GhMADS69
MGRGRVQLRRIENNISRQVTFSKRRSGLLKKANEISVLCDADVALIVFSNKGK
LFEFSSDPSMERILERYERQIYAPTGSESQANWSLESSKLMSTIEVLQRNLRNF
RGEELEPLSSRDLQLLEQQIGNSLKRIRTRKNKLMSESISVLQKREKTLQDQNN
MLAKKLKEKQQTPTEHAQHEVQQKLVQNSPPSTSIQPPNTTTGCNTVSLFDY
WRELRSHERDKQGS
> GhMADS43
MGRGRVQLKRIENKINRQVTFSKRRSGLLKKAHEISVLCDAQVALMVFSSKG
KLFEYATESCMERILERYERYSFTEIQCATDEIQQNGNWTWEHAKLKARMETL
QRNLRHYEGEDIQNLSLRELQNLEQQLDSALKRIRSKKNQLMVESISEFQKKD

KELQEQNNILAKKLKEKEKTNVEQAHWQLNNNCQDSSSMLLPLNISSNGREK
EDNETTNSGVLLPWMIRHHLE
> GhMADS41
MGRGRVQLKRIENKINRQVTFSKRRAGLLKKAHEISILCDAEVALIVFSHKGK
LFEYSTDSCMEKILERYERYSYAERQLVATEPESQGNWSMDYNRLKAKVELL
QRNHRHYMGEELESLSLKELQNLEQQLDTALKLIRSKKNQLMYESISELQRKE
KAIQEQNTMLAKQIKEREKTVAQQQQQQPQWGQQDHGLNTSSFLLPQPPPCL
NIGGTYQEEATEMRRNELDLTLEPIYSCHLGCFAA
> GhMADS42
MGRGRVQLKRIENKINRQVTFSKRRAGLLKKAHEISVLCDAEVALIVFSHKGK
LFEYSTDSCMEKILERYERYSYAERQLVATESQPQGNWSMEYNRLKAKVDLL
QKNHRHYMGEDLDSLSLKELQNLEQQLDTAIKHIRSKKNQLISESISELQRKE
KAIQEQNAMLAKQIKEREKTVAQAQQSQWGQHQQQLGLNTSTSFLLPQPPHP
CLNIGGTYQEEATDQVRRNELDLTLEPIYTCHLGYFAA
> GhMADS44
MGRGRVELKRIENKINRQVTFSKRRSGLFKKAHELSVLCDAEVALIVFSHKW
KLYEYSTDSCMEKILERYERHYYAERHLVATEPESQGEWSVEYYRLKAKVELL
QKNHRHYMGEDLDPLSLKELQNLEQQLDTAVKHIRARKNQLLNESISELQRK
EKAIKEQNAMLANQIKEREKTVARQSQWGLQDNGLNTSSFVLPHPHPSLNIG
GIYQ
> GhMADS65
MGRGRVELKRIENKINRQVTFSKRRSGLFKKAHELSVLCDAEVALIVFSHKW
KLYEYSTDSCMEKILERYERHYYAERHLVATEPESQGEWSVEYNRLKAKVELL
QKNHRHYMGEDLDPLSLKELQNLEQQLDTALKHIRARKNQLLNESISELQRK
EKAIKEQNAMLANQIKEREKTGARQSQWGQQDNGLNTSSFVLPHPHPSLNIG
> GhMADS9
MGRGKIEIKRIENANSRQVTFSKRRAGLLKKAKELAILCDAEVAVIIFSNTGKL
FEFSSSGMNKTISRYKSAQGSPEIAQVEHKAEKQDSKEADHLKDEIAKLQMK
QLQLLGKNLTSMSLKELQLLEQQLNEGLLSVKEKKEQLLMQQLEQSRLQEQR
AMLENETLRRQVEELRGFFPTTDHPIQPYLECYPVERKNSLMSHSIPSPDLTCN
CTVEKGDSDTTLYLGLPSDYHKRKKPEIESHSNDSESQ
>GhMADS67
MGRGKIEIKRIENANSRQVTFSKRRAGLLKKAKELAILCDAEVAVIIFSNTGKL
SEFSSSGMKKTFSRYNKCLQGPTEMALVEHKAEKQVCKEADNLKDEVAKLQ
MKQLQLLGKNLTSVSLKELEVLEQQLSEGLSSVKEKKEQLLMEQLEQSRLQE
QRVMLENETLRRQLEELRGFLPSTDHLVRSYLEYYPVERKNSLMSHNIRGPDV
TCACNLEKGDSDTTLYLGLPSDHHKRKKPESHSNDSESQ
>GhMADS14
MVRRRTQMKRIENAASRQVTFSKRRNGLLKKAFELSVLCDAEVALIIFSPRGK
LYEFSSSSTNKTIERYQKRQKDIHGISSKGEDMQEDAHSLAKKIESLEDSKRKL
LGRGLEPCSIDDLLLLEKQLERSLSRIRARKNQVFTEQIKKLKEEERRLGEENA
NLREECGMRPRESTSTRQSDDERNMEVETELCIGPPERRCKLKP
> GhMADS15
MVRGKIQMKRIENATSRQVTFSKRRNGLLKKAYELYVLCDAEVAVIIFSHKGK

LYEFSSSDNMQNTIERYRQYKKDVQSNIPEFDRYTQQLRLEAENMAKKIEFLE
VSKRRMLGQNLGSCSIDELQEVENQLERSLRNIRARKGYLFKEQILQLKAKER
YMQEENAKLSAKNNGTTCRQQNAEVETELFLGVARKPLFPSKVGLLEYGMK
NDNSLFGIMACLVRLSPLATGLDHLDWMDGWKYNILYILQTSPRNWKINNLG
KKPRWGEKKNF
> GhMADS58
MVRGKTQMRRIENNTSRQVTFSKRRNGLLKKAFELSVLCDAEVALIIFSPRGK
LFEFASSSMQQTIERYRRRTKDNETNKPIEQNLQHLKTESANMLKTLEDLEISR
RKLLGENLGSCTLEELQEIEQQLQKSVSIIRARKTQIFRDQIEQLKEKEKALAA
ENEKLCEKCGTKSWKRLSEQEDNVPYDESSPSSDVETELFIGLPEGRTRRIVQL
N
> GhMADS60
MVRGKTQMKRIENPTSRQVTFSKRRNGLLKKAFELSVLCDVEVALIIFSPRGK
PYEFASSSMQETIARYLRHTKDNRVKPTEQSMQWQHLKTEAEKMLKKIELLE
VSRRKLLGENLGSCTLEELQQIEQQLERSVTRVRARKAKVFKDQIEKLKEKEE
VLAAENAKLCEKYGLLPGKGSKEVNENEEANDESNPSSDVETELFIGLPEGRA
KRIVQPNSTD
>GhMADS36
MGRGKVQLKRIENPTNRQVTFSKRRNGLLKKAFELSILCDAEVALLIFSSSGK
VYQFASHDMDRTVAKYRREVGLPDSSNPQFRTMEFWRSEIDELNRSINTLEAR
LKHLSGEDILALGMRDLKQLERQLKIGVERVRSRKRRIVSDHATLLKRRHKQL
QEENSRLHKRVKLKELQDGNISSGLVGENACTMFHQRIVHEEDFHNETGLPL
> GhMADS38
MGRGKIAIRRIDNSASRQVTFSKRRKGLIKKAKELAILCDAEVGLVIFSSSGKL
YEFASTSMKTVIERYNTLKEEHQQLSNPSSEVKFWQREAAILKQQLQNLQDN
HRQLMGEQLYGLRVEDLQNLENQLEMSLKGVRMKKERILTNEIEELNRRGSLI
HQENEELFKKVNLIRKENIELHKKVYGTRDENGNAMSSYVFDGGEGSNVPIH
LQLSQPERDKD
> GhMADS64
MGRGKIVIRRIDNSTSRQVTFSKRRNGLLKKAKELAILCDAEVGVTIFSSTGKL
YDFASTSMRSIIERYNKAKEEHQQLGSPTSEVKFWQREAAILRQKLQNLQENH
RQMMGEELSGLGVKELQNLESQLEMSLRGVRMKKDQILMNEIQELNRKGNII
HQENVELYKKVYGTRDVDGANKDSLLTNGLGIGEDSQVPVCLQLCQPQQQS
YETPTRATNLGRLQLQ
> GhMADS55
MGRGKLVIRRIDNSTSRQVTFSKRRNGLLKKARELSILCDAEVGLIIFSSTGKL
YDYASTSMRSVIERYNRTKEENHHQMNPASEVKFWQREVASLRQQLQYLQE
YHRQLMGEELSGLSINDLQNLENQLEMSLKGVRMKKDQILTDEVKELNNKG
HLIHQENLQLHKKLDLMYQENTELQKKAYGTRQANEASRSSPPNYTFNNGY
DLRAAVHLQLSQPLPQKNDAPEKPMKLG
>GhMADS70
MGRGKIVIRRIDNSTSRQVTFSKRRNGLLKKARELSILCDAEVGLIIFSSTGKLY
DYASSSMKSVIERYNKVKEEHHQLLNPDSQVKFWQREAASLRQQLQYLQDY
RRQLMGEELSGLSVKDLQHLENQLEVSLKGVRTKKEQILTDEIKELNHKGHLI

HQENLELYKKVDLIHQQNTELQKKIYGTREANEASRISHSNYTFNNGYDLHA
PVRLQFKPAPTS
> GhMADS39
MTRKRIQIKKIDNVAARQVTFSKRRRGLFKKAHELSVLCDAEIALIVFSATGKL
FDYFSTSMEVIERRNQQSGKGIDRSVTSPCHGLQVESRTCAMLSKEMAEKTH
QLRQLKGEELQGLGYEGLKHLEKLVEGGLRRVTETKDERFFKEISTLKMKEA
ELVEENQQLKQQMENLPHMVHVQPSESIAHVGSSENPTQPYNNSHDISLTLG
> GhMADS63
MTRQRIEIKKIANTAARQVTFSKRRRGLFKKAHELSTLCDAEIALIVFSATGKL
FKYSSTSMRQVIERHRLQSERIDGLEGAPSVELQLESATHSVLSKEIAEKTQEL
RQLRGEDLHGLNLDQLKQLEKLVQGGLSQITETKDERFLKEISTLEKKGAELK
EENLILKQQVENLPLVVKGQPSEPFPHLHKSGDPPPPPQGYNTSDISLTLGLPFP
S
> GhMADS56
MTRQKIQIKKIDNTAARQVTFSKRRRGLFKKAYELSTLCDAEIALLVFSNTGKL
LEYSSTSTRQVIERRNLQSERIDLLDPISTLELQLQSSTCAMLGTEIAEKTKELR
QLRGEELQGLDLEELKHLEKLLEGGLNRVTQTKDELFFKEISILKRKEVELME
ENQQLKEKMGNSPHVVQPTVAQQGLGQPSDCNGHAWRSYSSDISLRLGLPYP
N
> GhMADS37
MAREKIKIKKIDNLTARQVTFSKRRRGLFKKAEELSVLCDAEVALIIFSATGKLF
EFASSSMKDTLGRYNLHSNNINKLDQPSLDLQLENNNNIRLNKEIVDKTHQLR
QMRGEDLQGLNIEELQQLEGMLESGLKCVLETKSNRIMNEISSLENKGARLLE
ENKQLKEKMATLYKRKRDSDVVGEEGVSSESVTNVCSCSSSCPPLEDDSSDTS
LRLGLPFT
> GhMADS54
MAREKIKIKKIDNLTARQVTFSKRRRGLFKKAEELSVLCDAEFALIIFSATGKLF
EFATSSMKDILGRYNLHSNKLDQPTLELRLENTNEISLSKEVADKTHQMRQMR
GEDLQGLNIDELQQLEKLLESGLTRVLETKGERIMNEISSLEIEGAQLQEENKL
LKEKLVSLCKGKRLVLVDSEVATQEEGMSSQSVDDVYSCSSGPSLEDDSSDTS
LKLG
> GhMADS40
MAREKIQIKKIDNSTARQVTFAKRRRGLFKKAEELAILCDADVALIIFSSTGKLF
DYASSSMKEILERHHLRSKNLEKLEQPCLGLKLVEHSNQSMLTMEIAEKSHQL
RQMRGEELHGLNIEELQQLEKSLEIGLSRVMEKKGQRIMREIKDLQRKGMQL
MEENERLKQQIINGPRQVTGDSDNIIFGEEGQSSESVTNVCTSNGNPHDYESSV
TSLKLGLPYSG
>GhMADS68
MAREKIQIKKIDNSTARQVTFAKRRRGLFKKAEELAILCDADVALIIFSSTGKLF
DYASSSMKEILERHHLRSKNLEKLEQPCLGLQLLEHSNQSMLTMEIAEKSHQL
RQMRGEELHGLNIEELQQLEKSLEIGLSRVMEKKGQRIMREIKDLQRKGMQL
MEENERLKQQIINGPRQVTGDSDNIIFGEEGQSSESVTNVCTSNGNPHDYESSV
TSLKLG
> GhMADS2

MGRGKIEIKRIENTTNRQVTFCKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIVFSSRGRL
YEYSNNNIRSTIDRYKKACSDTSNTNTVTEINAQYYQQESAKLRQQIQMLQNS
NRHLMGDSLSSLTVKELKQVENRLERGITRIRSKKHEMLLAEIEFLQKREIELE
NESVCLRTKIAEIERLQQANMVTGPELNAIQALASRNFFSPNVIEHPSAYSHPS
DKKILHLG
> GhMADS5
MGRGKIEIKRIENTTNRQVTFCKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIVFSTRGRL
YEYSNNNIRSTIERYKKACSGTSNTNTVTEINAQYYQQESAKLRQQIQMLQNS
SRHLMGDSLSSLTVKELKQLENRLERGITRIRSKKHEMLLAEIEYFQKREVELE
NESVCLRAKIAEIERVEEANMVTGAELNAIQALASRNFFTPNVIERGTPTPYSH
HDKKILHLG
>GhMADS7
MGRGKIEIKRIENTTNRQVTFCKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIVFSSRGRL
YEYANNSVRATIERYKKACSDATTPGSVAEANIQFYQQEATKLRRQIRDVQNM
NRHILGEALSSLTFKELKNLEGRLEKGICRIRSKKNELLFAEIGFMQKREVELQ
NDNMYLRAKIAENERAQQQSNQLMQAASSYNRNFLPVNLLEPSNNDYSNQD
QTPLQLV
>GhMADS4
MGRGKIEIKRIENTTNRQVTFCKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALIVFSNRGR
LYEYANNSVKATIERYKKASDSSNTGSVAEVNAQFYQQEADKLRNQIRNLQN
TNRHMLGESVGGLPMKELKSLETRLEKGISRIRSKKNELLFAEIEYMQKKEID
LHNNNQLLRAKIAENERKQESMNLMPGGSSNNFEAIHSQPYDSRNYFQVDAL
QPAANYYNPQQQQDQIVLQLV
>GhMADS3
MGRGKIEIKRIENTTNRQVTFCKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALVAFSSRGR
LYEYANNSVKATIERYKKASDSSNTGSVAEVNAQFYQQEADKLRNQIRNLQN
ANRHMLGESIGGLPMKELKSLESRLEKGISRIRSKKNELLFAEIEYMQKREIDL
HNNNQLLRAKIAENERKQQSMNLMPGGSSANFEALHSQPYDSRNYFQVDAL
QPATNYYNPQLQQDQIALH
>GhMADS10
MGRGKIEIKRIENTTNRQVTFCKRRNGLLKKAYELSVLCDAEVALVVFSSRGR
LYEYANNSVKATIERYKKASDSSNTGSVAEVNARFYQQEADKLRNQIRNLQN
ANRHMLGESIGGLPMKELKSLESRLEKGISRIRSKKNELLFAEIEYMQKREIDL
HNNNQLLRAKIAENERKQQSMNLMPGGSSANFEALHSQPYDSRNYFQVDAL
QPATNYYNPQLQQDQIALQLV
> GhMADS57
MGRGKIAIKRIENQTTRQVTFSKRRAGLLKKTHELSVLCDAQIGLIIFSSTGKM
CQYCTQPYRMEQIIERYQKVTGTRIPKHDNREHLYNELAVLRKETRLLQLSMR
RYTGEDMSSMPYEELDQLEQELERSVNKERMLEEENNNMYRWIQEHRAAIE
YQQQGGLEAKPVEHHQQVLDEFPFYGEPSSVLQLATIPQQFSYQLQLAQPNL
QDSNV
>GhMADS66
MGRGKIAIKRIENQTTRQVTFSKRRAGLLKKTHELSVLCDAQIGLIIFSSTGKM
CQYCTQPYRMEQIIERYQKVTGTRIPEHDNREHLYNELAVLRKETRLLQLSMR

RYTGEDMSSMPYEELDQLEQELERSVNKVRERKERMLEEENNNMYRWIQEH
RAAIEYQQQGGLEAKPVEHHQQVLDEFPFYGEPSSVLQLATIPQQFSYQLQLA
QPNLQDSNV
>GhMADS28
MGRGKIAIKRIENQTTRQVTFSKRRAGLLKKTHELSVLCDAQIGLIIFSSTGKM
CQYCTQPYRMEQIIERYQKVTGTRIPEHDNREHLYNELAVLRKETRRLQLSMR
RYTGEDMSSIPYEELDQLEQELERSVNKVRERKNELLQQQLDNLRRKERMLE
EENNNMYRWIQEHRAAIEYQQHGGLEAKPVEHHQQVLDEFPFYGEPSSVLQL
ATIPQQFSYQLQLAQPNLQDSNV
> GhMADS27
MGRGKIPIKRIENQTTRQVTFSKRRAGLLKKTHELSVLCDAQIGLIIFSTTGKM
CQYCTEGYRMEQIIERYQKVTGTCIPEHDNREHLYNELAVLRKETRRLQLSMR
RYTGEDMSSIPFEELDQLEHELERSVIKVRERKNELLQQQLDNLRRKERILEEE
NSNMYRWVQEHRAAIEYQQGGMEAKPVEHQQVVDQFPFFGEPSSVLQLATIP
QQFQSYQLQLAQPNLQDSNV
> GhMADS12
MGRGKIEIKRIENSSNRQVTYSKRRNGIMKKAKEITVLCDAKVSLIIFASSGKM
HEYCSPSTKLIDILDQYQKTSGKKLWDAKHENLSNEIDRIKKENDSMQIELRH
LKGEDITSLPYKELMALEDALENGLTCVRAKQMDVLDMAKKNTKFLEEDNK
QLNFIVNQQQLTYENVREHMDHHGYHQAARADFNSQMPFAFRVQPMQPNLQ
ERM
> GhMADS50
MGRGKIEIKRIENSSNRQVTYSKRRNGIMKKAKEITILCDAKVSLIIFGSSGKM
HEYCSPSTNLVDILDQYQKTSGKKLWDAKHENLSNEIDRIKKENDNMQIELR
HLKGEDITSLPYKELMAIEDALENGLTYVRGKQMDVLDKTWKNTKFLEEDY
KQLSFILNQQQIAYESAREQMDHGYQRARDYNSQMSSTFQVQPMQPNLQER
M
>GhMADS53
MARGKIQIKLIENSTNRQVTYSKRRNGLFKKANELTVLCDARVSIIMFSTTGKL
HEFISPSTTTKQVIDQYQKTLGIDIWNTHYEKMQEQLKQLKEVNRNLRKEIRR
RMGDCLNDLSIEDLGALEQEMESSVTLIRDRKYRVLSNQIDTSRKKVRNVEEI
HKNLLHELESLKEDPYGLVDNGGDYDTLIGYQNGGPRIFALRLQPNHPSLHSG
GGSDLTTYPLLD
> GhMADS51
MGRGKIEIKKIENATNRQVTYSKRRNGLFKKAQEPTVLCDAKVSLIMFSSTGK
FHEFLSPNISTKGFFDLYQKTTGIDLWNSHYERMEENYRSLKEINKKLRREIRQ
RMGGDLNELNIKELQALEAKMDSSLLAIRERKYHVIKTQTDKHKKKVRNLEE
RHANLVMDLEAKLDGQDGIVETGGYYESTMGLLPTGASNLYALRLYQNQQPP
LVLHHGTNDLRLA
> GhMADS52
MGRGKIEIKRIENATNRQVTYSKRRNGIFKKAQELTVLCDAKVSLIMFSSTGKF
HEFISPNISTKAFFDLYQKTTGTDLWISHYEKMQENYRRLKEINKKSRREIRQR
MGGDLDDLNIKELQALEAKMDSSLVAIRDRKYHVIKTQTDTHRKKVRNLEEG

HANLVFDLETKLDQQDGIVESEGYYNEAANGASNLHALRLYQIHHPNLVLHH
GGRFDSNDLRLA
> GhMADS59
MGRGKIEIKRIENATNRQVTYSKRRNGIFKKAQELTVLCDAKVSLIMFSSTGKF
HEFLSPNISTKGFFDLYQKTTGTDLWISHYEKMQENYRRLKEINKKLRREIRQR
MGGDLDDLNIKELQALEAKMDSSLVAIRDRKYHVIKTQTDTHKKKVRNLEER
HANLVLDLETKLDQQDGIVESEGYYNEAANGASNLHALRLYQIHHPNLVLQH
GGRFDSNDLRLA